

SI Appendix (Mishra et al.)

Table S1.

Distribution of ^{me}C in protein coding genes of *C. albicans*. Genomic DNA from strain SC5314 (yeast form) was subjected to bisulfite treatment followed by cloning and sequencing (BS-C). ^{me}C residues (asterisk); transcription start site (TSS); and stop codon (STOP) are marked.

(A) Orf19.5749

	10	20	30	40	50	60	70
GENOMIC						
BS-C1	CAAATTAATTGATCAATTGTACTTCATTTTAAATAACTCAAATTGAAGGCTTTCAAATTCGAAATAGA						
BS-C2	TAAATTAATTGATTAATTGTATTTTATTTTAAATAATATTTAAATTGAAGGTTTTTATATTTTGAAATAGA						
BS-C3	TAAATTAATTGATTAATTGTATTTTATTTTAAATAATATTTAAATTGAAGGTTTTTATATTTTGAAATAGA						
BS-C4	TAAATTAATTGATTAATTGTATTTTATTTTAAATAATATTTAAATTGAAGGTTTTTATATTTTGAAATAGA						
BS-C5	TAAATTAATTGATTAATTGTATTTTATTTTAAATAATATTTAAATTGAAGGTTTTTATATTTTGAAATAGA						
	80	90	100	110	120	130	140
GENOMIC TSS						
BS-C1	ACATTATTTGAAGAAGAAAAATTACTCATTATGTCTCGACAACCCTCAAACCTCCAACGTATTATGGG						
BS-C2	ATATTAATTGAAGAAGAAAAATTATTTATTATGTTTTTGATAATTATTTAAATTTTAATTGATTATGGG						
BS-C3	ATATTAATTGAAGAAGAAAAATTATTTATTATGTTTTTGATAATTATTTAAATTTTAATTGATTATGGG						
BS-C4	ATATTAATTGAAGAAGAAAAATTATTTATTATGTTTTTGATAATTATTTAAATTTTAATTGATTATGGG						
BS-C5	ATATTAATTGAAGAAGAAAAATTATTTATTATGTTTTTGATAATTATTTAAATTTTAATTGATTATGGG						
	150	160	170	180	190	200	210
GENOMIC *.....						
BS-C1	CTCAACGTTTCATCTGAAGATGACGCTGCCAAAAATATCATTATTTAACCATTCAAATATCTGATCCAAT						
BS-C2	TTTAATGTTTATTTGAAGATGATGTTGTTAAAAATATTATTTATTTAATTATTTAAATATTTGATTTAAT						
BS-C3	TTTAATGTTTATTTGAAGATGATGTTGTTAAAAATATTATTTATTTAATCATTAAATATTTGATTTAAT						
BS-C4	TTTAATGTTTATTTGAAGATGATGTTGTTAAAAATATTATTTATTTAATTATTTAAATATTTGATTTAAT						
BS-C5	TTTAATGTTTATTTGAAGATGATGTTGTTAAAAATATTATTTATTTAATTATTTAAATATTTGATTTAAT						
	220	230	240	250	260	270	280
GENOMIC						
BS-C1	TGATTTAAAAATAGATTTAAAAAGTGATCATTAAATTATTGATTCATAATCTAATGATTCAGTTTATTCA						
BS-C2	TGATTTAAAAATAGATTTAAAAAGTGATTTATTTAATTATTGATTTTAAATTTAATGATTTAGTTTATTTA						
BS-C3	TGATTTAAAAATAGATTTAAAAAGTGATTTATTTAATTATTGATTTTAAATTTAATGATTTAGTTTATTTA						
BS-C4	TGATTTAAAAATAGATTTAAAAAGTGATTTATTTAATTATTGATTTTAAATTTAATGATTTAGTTTATTTA						
BS-C5	TGATTTAAAAATAGATTTAAAAAGTGATTTATTTAATTATTGATTTTAAATTTAATGATTTAGTTTATTTA						
	290	300	310	320	330	340	350
GENOMIC	*..... *.....						
BS-C1	TCAATTGATTATCATTTCAAATTTGATTTTTTTCAAAGAAATAGATCCTGATCAATCAAAAATTAATACTG						
BS-C2	TTAATTGATTATTTATATAAATTGATTTTTTTTAAAGAAATAGATTTTGATTAATTAATAATTAATATTG						
BS-C3	TTAATTGATTATTTATATAAATTGATTTTTTTTAAAGAAATAGATTTTGATTAATTAATAATTAATATTG						
BS-C4	TTAATTGATTATTTATATAAATTGATTTTTTTTAAAGAAATAGATTTTGATTAATTAATAATTAATATTG						
BS-C5	TCAATTGATTATTTATATAAATTGATTTTTTTTAAAGAAATAGATTTTGATTAATTAATAATTAATATTG						
	360	370	380	390	400	410	420
GENOMIC *.....						
BS-C1	AAAATGGTTCACATATTTTTTATGATTTCTTCGTAAAAAAGATCAACAAGAAGAATATTGGCCACGTTTAAC						
BS-C2	AAAATGGTTTATATATTTTTTATGATTTTTCTGTAAAAAAGATTAATAAGAAGAATATTGGTTATGTTTAAT						
BS-C3	AAAATGGTTTATATATTTTTTATGATTTTTCTGTAAAAAAGATTAATAAGAAGAATATTGGTTATGTTTAAT						
BS-C4	AAAATGGTTTATATATTTTTTATGATTTTTCTGTAAAAAAGATTAATAAGAAGAATATTGGTTATGTTTAAT						
BS-C5	AAAATGGTTTATATATTTTTTATGATTTTTCTGTAAAAAAGATTAATAAGAAGAATATTGGTTATGTTTAAT						

```

          430      440      450      460      470      480      490
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    TAAAGAAAAATTGAAATATCATTATATTTAAAAC TGATTTTGATAAATGGGTGGATGAGGATGAACAAGAT
BS-C2    TAAAGAAAAATTGAAATATTTATTATATTTAAAATTGATTTTGATAAATGGGTGGATGAAGATGAATAAGAT
BS-C3    TAAAGAAAAATTGAAATATTTATTATATTTAAAATTGATTTTGATAAATGGGTGGATGAAGATGAATAAGAT
BS-C4    TAAAGAAAAATTGAAATATTTATTATATTTAAAATTGATTTTGATAAATGGGTGGATGAAGATGAATAAGAT
BS-C5    TAAAGAAAAATTGAAATATTTATTATATTTAAAATTGATTTTGATAAATGGGTGGATGAAGATGAATAAGAT

          500      510      520      530      540      550      560
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    GAAGTTAAAGATGATCCAAATGATTTTGGTGGACCTGGTGGACCTGGTGGAGCTATGGATTTCTCACAAA
BS-C2    GAAGTTAAAGATGATTTAAATGATTTTGGTGGATTTGGTGGATTTGGTGGAGTTATGGATTTTTTATAAA
BS-C3    GAAGTTAAAGATGATTTAAATGATTTTGGTGGATTTGGTGGATTTGGTGGAGTTATGGATTTTTTATAAA
BS-C4    GAAGTTAAAGATGATTTAAATGATTTTGGTGGATTTGGTGGATTTGGTGGAGTTATGGATTTTTTATAAA
BS-C5    GAAGTTAAAGATGATTTAAATGATTTTGGTGGATTTGGTGGATTTGGTGGAGTTATGGATTTTTTATAAA

          570      580      590      600      610      620      630
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    TGTGAGCGGCATGGGCGGTTTAGGTGGCACTGGTGGAAAGTGGCGGTCTGGTGGCGTGCATCTTAGTGC
BS-C2    TGTGAGTGGTATGGGTGGTTTAGGTGGTGTGGTGGAAAGTGGTGGTTTTGGTGGTGTGATTTTAGTGT
BS-C3    TGTGAGTGGTATGGGTGGTTTAGGTGGTGTGGTGGAAAGTGGTGGTTTTGGTGGTGTGATTTTAGTGT
BS-C4    TGTGAGTGGTATGGGTGGTTTAGGTGGTGTGGTGGAAAGTGGTGGTTTTGGTGGTGTGATTTTAGTGT
BS-C5    TGTGAGTGGTATGGGTGGTTTAGGTGGTGTGGTGGAAAGTGGTGGTTTTGGTGGTGTGATTTTAGTGT

          640      650      660      670      680      690      700
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    ATTGGCTTCTCAATTGGGTTAAGCTGGTGGTGCTGGTGGTGCTGCAGGTCTTGATGGTGAAGAAGGCGAA
BS-C2    ATTGGTTTTTTAATTGGGTTAAGTTGGTGGTGTGGTGGTGTGTTGAGGTTTTGATGGTGAAGAAGGTGAA
BS-C3    ATTGGTTTTTTAATTGGGTTAAGTTGGTGGTGTGGTGGTGTGTTGAGGTTTTGATGGTGAAGAAGGTGAA
BS-C4    ATTGGTTTTTTAATTGGGTTAAGTTGGTGGTGTGGTGGTGTGTTGAGGTTTTGATGGTGAAGAAGGTGAA
BS-C5    ATTGGTTTTTTAATTGGGTTAAGTTGGTGGTGTGGTGGTGTGTTGAGGTTTTGATGGTGAAGAAGGTGAA

          710      720      730      740      750      760 ---| 770
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|...STOP...|
BS-C1    GAAGGCGATGAAGAAGCTAAAAAAGCGCAAGAAGAATCAAAATGCCACTGCTACTGAAAAAGAATAATCTC
BS-C2    GAAGGTGATGAAGAAGTTAAAAAAGTGAAGAAGAATTAATGTTATTGTTATTGAAAAAGAATAATTTT
BS-C3    GAAGGTGATGAAGAAGTTAAAAAAGTGAAGAAGAATTAATGTTATTGTTATTGAAAAAGAATAATTTT
BS-C4    GAAGGTGATGAAGAAGTTAAAAAAGTGAAGAAGAATTAATGTTATTGTTATTGAAAAAGAATAATTTT
BS-C5    GAAGGTGATGAAGAAGTTAAAAAAGTGAAGAAGAATTAATGTTATTGTTATTGAAAAAGAATAATTTT

          780      790      800      810      820      830      840
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    AAATAACAAAGTAATACAAAAAAAACCAAAATTATACAGTTGAATAGTCTATTTTATTAGTCAATTTCAA
BS-C2    AAATAATAAAGTAATATAAAAAAAAATAAAATTATATAGTTGAATAGTTTATTTTATTAGTTATTTTAAA
BS-C3    AAATAATAAAGTAATATAAAAAAAAATAAAATTATATAGTTGAATAGTTTATTTTATTAGTTATTTTAAA
BS-C4    AAATAATAAAGTAATATAAAAAAAAATAAAATTATATAGTTGAATAGTTTATTTTATTAGTTATTTTAAA
BS-C5    AAATAATAAAGTAATATAAAAAAAAATAAAATTATATAGTTGAATAGTTTATTTTATTAGTTATTTTAAA

          850      860
GENOMIC  ....|....|....|....|....|.
BS-C1    CCATTTAATAAATATTACTCGTAACG
BS-C2    TTATTTAATAAATATTATTTGTAATG
BS-C3    TTATTTAATAAATATTATTTGTAATG
BS-C4    TTATTTAATAAATATTATTTGTAATG
BS-C5    TTATTTAATAAATATTATTTGTAATG

```

(B) Orf19.2593

```

      10      20      30      40      50      60      70
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    ACAAAGCTACAACAAAACAAAAATTTAGACAATAATGATCACAGAGCCTAGATAGTTGGTTCTGATTTAAA
BS-C2    ATAAAGTTATAATAAATAAAAAATTTAGATAATAATGATTATAGAGTTTAGATAGTTGGTTTTGATTTAAA
BS-C3    ATAAAGTTATAATAAATAAAAAATTTAGATAATAATGATTATAGAGTTTAGATAGTTGGTTTTGATTTAAA
BS-C4    ATAAAGTTATAATAAATAAAAAATTTAGATAATAATGATTATAGAGTTTAGATAGTTGGTTTTGATTTAAA
BS-C5    ATAAAGTTATAATAAATAAAAAATTTAGATAATAATGATTATAGAGTTTAGATAGTTGGTTTTGATTTAAA
      80      90     100|---  110     120     130     140
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|STOP|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    ATATATTAATATTATTATTCACGGAGTCTACCTACTTAGTGAAACTTTCCATTGGTTTCAAACCCCATTTTC
BS-C2    ATATATTAATATTATTATTATGGAGTTTATTTATTTAGTGAAATTTTTTTATTGGTTTTAAATTTTATTTT
BS-C3    ATATATTAATATTATTATTATGGAGTTTATTTATTTAGTGAAATTTTTTTATTGGTTTTAAATTTTATTTT
BS-C4    ATATATTAATATTATTATTATGGAGTTTATTTATTTAGTGAAATTTTTTTATTGGTTTTAAATTTTATTTT
BS-C5    ATATATTAATATTATTATTATGGAGTTTATTTATTTAGTGAAATTTTTTTATTGGTTTTAAATTTTATTTT
      150     160     170     180     190     200     210
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    TTCAACATGGCGATATCTTCATCCCAACCATTACACATTGTAGTCAACATTCTCTTACCGGTGAAAAATAG
BS-C2    TTTAATATGGTGATATTTTTATTTTAATTATTATATATTGTAGTTAATATTTTTTTATTGGTGAAAAATAG
BS-C3    TTTAATATGGTGATATTTTTATTTTAATTATTATATATTGTAGTTAATATTTTTTTATTGGTGAAAAATAG
BS-C4    TTTAATATGGTGATATTTTTATTTTAATTATTATATATTGTAGTTAATATTTTTTTATTGGTGAAAAATAG
BS-C5    TTTAATATGGTGATATTTTTATTTTAATTATTATATATTGTAGTTAATATTTTTTTATTGGTGAAAAATAG
      220     230     240     250     260     270     280
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    CATTGACCCCACTCATGAAACACAAGAACTGCTCGTGTTCCTTCATGGTGTATCGACCGGCCGGCCAATCT
BS-C2    TATTGATTTTTATTTATGAAATATAAGAATTGTTTGTGTTTTTTTATGGTGTATTGATTGGTGGTTAATTT
BS-C3    TATTGATTTTTATTTATGAAATATAAGAATTGTTTGTGTTTTTTTATGGTGTATTGATTGGTGGTTAATTT
BS-C4    TATTGATTTTTATTTATGAAATATAAGAATTGTTTGTGTTTTTTTATGGTGTATTGATTGGTGGTTAATTT
BS-C5    TATTGATTTTTATTTATGAAATATAAGAATTGTTTGTGTTTTTTTATGGTGTATTGATTGGTGGTTAATTT
      290     300     310     320     330     340     350
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    AATGATGGATTTCAGGCATAATCAATCTAGCAGTAGCAATAGTTCTCAAAAATAGCATCAAATTTCCAATTGT
BS-C2    AATGATGGATTTAGGTATAAATTAATTTAGTAGTAGTAATAGTTTTTAAAAATAGTATTAATTTTAATTGT
BS-C3    AATGATGGATTTAGGTATAAATTAATTTAGTAGTAGTAATAGTTTTTAAAAATAGTATTAATTTTAATTGT
BS-C4    AATGATGGATTTAGGTATAAATTAATTTAGTAGTAGTAATAGTTTTTAAAAATAGTATTAATTTTAATTGT
BS-C5    AATGATGGATTTAGGTATAAATTAATTTAGTAGTAGTAATAGTTTTTAAAAATAGTATTAATTTTAATTGT
      360     370     380     390     400     410     420
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    CTTTCCTTTGGTGCATTTTTCAACACTTCAACAATTGGAGTACCCCTGGATTGGAACATAATCTGTTGATTG
BS-C2    TTTTTTTTTGGTGTATTTTTTAATATTTTAATAATTGGAGTATTTTGGATTGGAATTAATTTGTTGATTG
BS-C3    TTTTTTTTTGGTGTATTTTTTAATATTTTAATAATTGGAGTATTTTGGATTGGAATTAATTTGTTGATTG
BS-C4    TTTTTTTTTGGTGTATTTTTTAATATTTTAATAATTGGAGTATTTTGGATTGGAATTAATTTGTTGATTG
BS-C5    TTTTTTTTTGGTGTATTTTTTAATATTTTAATAATTGGAGTATTTTGGATTGGAATTAATTTGTTGATTG
      430     440     450     460     470     480     490
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    GCAATGATTTCTGGGTGCGGACTCATGTTGGACAAAGTGTACAAAAACGAAACATGATCTTGTCGGTTTTTC
BS-C2    GTAATGATTTTTGGGTGTTGGATTTATGTTGGATAAAGTGTATAAAAAATGAAATATGATTTTTGTGTGGTTTT
BS-C3    GTAATGATTTTTGGGTGTTGGATTTATGTTGGATAAAGTGTATAAAAAATGAAATATGATTTTTGTGTGGTTTT
BS-C4    GTAATGATTTTTGGGTGTTGGATTTATGTTGGATAAAGTGTATAAAAAATGAAATATGATTTTTGTGTGGTTTT
BS-C5    GTAATGATTTTTGGGTGTTGGATTTATGTTGGATAAAGTGTATAAAAAATGAAATATGATTTTTGTGTGGTTTT
```

```

          500      510      520      530      540      550      560
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|*....|....|....|....|
BS-C1    TCCCAATCCGAGAATACCACCGGTACAAGCTTTGATACCAGCTTTTTGGACGTTTTTAATGGTTTCTAAT
BS-C2    TTTTAATTTGAGAATATTATTGGTATAAAGTTTTGATATTAATTTTTGGATGTTTTAATGGTTTTAAT
BS-C3    TTTTAATTTGAGAATATTATTGGTATAAAGTTTTGATATTAATTTTTGGACGTTTTTAATGGTTTTAAT
BS-C4    TTTTAATTTGAGAATATTATTGGTATAAAGTTTTGATATTAATTTTTGGATGTTTTAATGGTTTTAAT
BS-C5    TTTTAATTTGAGAATATTATTGGTATAAAGTTTTGATATTAATTTTTGGACGTTTTTAATGGTTTTAAT

          570      580      590      600      610      620      630
GENOMIC  ....|....|....|*....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    CTTTCGTCTGATGTACGGGTGGTGACGACGTTTGGATAATGTTCTCTTGAAGTGTCAATGTTGTGGTTGT
BS-C2    TTTTTGTTGATGTATGGGTGGTGATGATGTTTGGATAATGTTTTTTTGAAGTGTTAATGTTGTGGTTGT
BS-C3    TTTTTGTTGATGTACGGGTGGTGATGATGTTTGGATAATGTTTTTTTGAAGTGTTAATGTTGTGGTTGT
BS-C4    TTTTTGTTGATGTATGGGTGGTGATGATGTTTGGATAATGTTTTTTTGAAGTGTTAATGTTGTGGTTGT
BS-C5    TTTTTGTTGATGTATGGGTGGTGATGATGTTTGGATAATGTTTTTTTGAAGTGTTAATGTTGTGGTTGT

          640      650      660      670      680      690      700
GENOMIC  ....|....|*....|....|....|....|*....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    AGGCAGTCAAACCATCTGTTTTAAAATTTTCAAGCTGCTTTTCGTTGATCATCCCGAGAGTAAACCAAGT
BS-C2    AGGTAGTTAAATTAATTTTGTTTTAAAATTTTAGTTTGTTTTTTGTGATTATTTTGAAGTAATATAAGT
BS-C3    AGGTAGTTAAATTAATTTTGTTTTAAAATTTTAGTTTGTTTTTTGTGATTATTTTGAAGTAATATAAGT
BS-C4    AGGTAGTTAAATCATTTTGTTTTAAAATTTTCAAGTTTGTTTTTTGTGATTATTTTGAAGTAATATAAGT
BS-C5    AGGTAGTTAAATTAATTTTGTTTTAAAATTTTAGTTTGTTTTTTGTGATTATTTTGAAGTAATATAAGT

          710      720      730      740      750      760      770
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    TTCCAACCTCAACTCGTCGTTGATTTGTTTAAACAACTTTACTGATTTTGTCTAAGGCAGACTTTCTTCCT
BS-C2    TTTTAATTTTAATTTGTTGTTGATTTGTTTAAATAATTTTATTGATTTTGTTAAGGTAGATTTTTTTTTT
BS-C3    TTTTAATTTTAATTTGTTGTTGATTTGTTTAAATAATTTTATTGATTTTGTTAAGGTAGATTTTTTTTTT
BS-C4    TTTTAATTTTAATTTGTTGTTGATTTGTTTAAATAATTTTATTGATTTTGTTAAGGTAGATTTTTTTTTT
BS-C5    TTTTAATTTTAATTTGTTGTTGATTTGTTTAAATAATTTTATTGATTTTGTTAAGGTAGATTTTTTTTTT

          780      790      800      810      820      830      840
GENOMIC  ....|....|....|*....|....|....|....|....|....|*....|*....|*....|....|....|
BS-C1    TGCATATCTCTCCAAGCGGAACCAAGGCAAACCTCTAGTACCACCTCGTCTTTCCGATCTCTAGCAATGT
BS-C2    TGTATATTTTTTAAAGCGGAATTAAGGTAAATTTTAGTATTATTTTGTGTTTTTGCATTTTTAGTAATGT
BS-C3    TGTATATTTTTTAAAGTGAATTAAGGTAAATTTTAGTATTATTTTGTGTTTTTGTATTTTTAGTAATGT
BS-C4    TGTATATTTTTTAAAGTGAATTAAGGTAAATTTTAGTATTATCTTGTGTTTTTGTATTTTTAGTAATGT
BS-C5    TGTATATTTTTTAAAGTGAATTAAGGTAAATTTTAGTATTATTTTGTGTTTTTGTATTTTTAGTAATGT

          850      860      870      880      890      900      910
GENOMIC  .*...|*...|....|....|....|....|....|....|....|*....|*....|*....|....|....|
BS-C1    CCATCACAGCATCCAAGTCGAGTTTTTTCAGCTTGAACCTCCAGTATCATGTTTCGATGATTGAGAACAGTA
BS-C2    TTATTATAGTATTTAAGTTGAGTTTTTTAGTTTGAATTTTAGTATTATGTTTTGATGATTGAGAATAGTA
BS-C3    TTATTATAGTATTTAAGTTAAGTTTTTTAGTTTGAATTTTAGTATTATGTTTTGATGATTGAGAATAGTA
BS-C4    TCATTATAGTATTTAAGTTAAGTTTTTTAGTTTGAATTTTAGTATTATGTTTTGATGATTGAGAATAGTA
BS-C5    TTATTACAGTATTTAAGTTAAGTTTTTTAGTTTGAATTTTAGTATCATGTTTTGATGATTGAGAATAGTA

          920      930      940      950      960      970      980
GENOMIC  ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1    AGAACAGTTTTTCGGTACATCCACCTGCTTAATGTTAAACAAGAGTACATAATTGGACTTCAGCAGGTTTT
BS-C2    AGAATAGTTTTTGGTATATTTATTTTGTTTAATGTTAATAAGAGTATATAATTGGATTTTTAGTAGGTTTT
BS-C3    AGAATAGTTTTTGGTATATTTATTTTGTTTAATGTTAATAAGAGTATATAATTGGATTTTTAGTAGGTTTT
BS-C4    AGAATAGTTTTTGGTATATTTATTTTGTTTAATGTTAATAAGAGTATATAATTGGATTTTTAGTAGGTTTT
BS-C5    AGAATAGTTTTTGGTATATTTATTTTGTTTAATGTTAATAAGAGTATATAATTGGATTTTTAGTAGGTTTT

```

```

          990          1000          1010          1020          1030          1040          1050
GENOMIC   ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1     TGGTACTCACGATGTTTCAATTGAGCGTTGAAAATCAAATCCATCAATGGAGCATTGTAAATTTTGCTAA
BS-C2     TGGTATTTATGATGTTTTAATTGAGTGTGAAAATTAATTTATTAATGGAGTATTGTAAATTTTGTTAA
BS-C3     TGGTATTTATGATGTTTTAATTGAGTGTGAAAATTAATTTATTAATGGAGTATTGTAAATTTTGTTAA
BS-C4     TGGTATTTATGATGTTTTAATTGAGTGTGAAAATTAATTTATTAATGGAGTATTGTAAATTTTGTTAA
BS-C5     TGGTATTTATGATGTTTTAATTGAGTGTGAAAATTAATTTATTAATGGAGTATTGTAAATTTTGTTAA

          1060          1070          1080          1090          1100          1110          1120
GENOMIC   ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|...*|....|....|
BS-C1     TTTTCATCTTTGGTCCAGTCAGATCTAGGTTTTGAAGATCTGGCTTTGGCCAAAGTATCAGCTGCATTAGA
BS-C2     TTTTATTTTTGGTTTAGTTAGATTTAGGTTTTGAAGATTTGGTTTTGGTTAAAGTATCAGTTGTATTAGA
BS-C3     TTTTATTTTTGGTTTAGTTAGATTTAGGTTTTGAAGATTTGGTTTTGGTTAAAGTATTAGTTGTATTAGA
BS-C4     TTTTATTTTTGGTTTAGTTAGATTTAGGTTTTGAAGATTTGGTTTTGGTTAAAGTATTAGTTGTATTAGA
BS-C5     TTTTATTTTTGGTTTAGTTAGATTTAGGTTTTGAAGATTTGGTTTTGGTTAAAGTATTAGTTTTATTAGA

          1130          1140          1150          1160          1170          1180          1190
GENOMIC   ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|...*|....|....|....|
BS-C1     TACTGTCAATTGGCATTGGCTTGAACCCACTGGCTGTGGATGTAACCTGTGGAGCCAAAAGCTCGTAAAGCT
BS-C2     TATTGTTATTGGTATTGGTTTGAATTTATTGGTTGTGGATGTAACCTGTGGAGTTAAAAGTTTGTAAAGTT
BS-C3     TATTGTTATTGGTATTGGTTTGAATTTATTGGTTGTGGATGTAATTTGTGGAGTTAAAAGTTTGTAAAGTT
BS-C4     TATTGTTATTGGTATTGGTTTGAATTTATTGGTTGTGGATGTAATTTGTGGAGTTAAAAGTTTGTAAAGTT
BS-C5     TATTGTTATTGGTATTGGTTTGAATTTATTGGTTGTGGATGTAATTTGTGGAGTTAAAAGTTTGTAAAGTT

          1200          1210          1220<--          1230          1240          1250          1260
GENOMIC   ....|....|....|....|....|....|...TSS...|....|....|....|....|....|....|
BS-C1     TTGGCGTTCATGGAGAAAAATCTTTTAAACAGACATTGTATAAACGTTGAAGATTTAAAGAAAAAAAAAAACA
BS-C2     TTGGTGTTTATGGAGAAAAATTTTTTAATAGATATTGTATAAATGTTGAAGATTTAAAGAAAAAAAAAAATA
BS-C3     TTGGTGTTTATGGAGAAAAATTTTTTAATAGATATTGTATAAATGTTGAAGATTTAAAGAAAAAAAAAAATA
BS-C4     TTGGTGTTTATGGAGAAAAATTTTTTAATAGATATTGTATAAATGTTGAAGATTTAAAGAAAAAAAAAAATA
BS-C5     TTGGTGTTTATGGAGAAAAATTTTTTAATAGATATTGTATAAATGTTGAAGATTTAAAGAAAAAAAAAAATA

          1270          1280          1290          1300          1310          1320
GENOMIC   ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|
BS-C1     GAAAGATTACGAATAATTTGTTTTAATTGGTGGGTATGAGGTGTTGCGCAGTCGACTCAACAAT
BS-C2     GAAAGATTATGAATAATTTGTTTTAATTGGTGGGTATGAGGTGTTGTGTAGTTGATTTAATAAT
BS-C3     GAAAGATTATGAATAATTTGTTTTAATTGGTGGGTATGAGGTGTTGTGTAGTTGATTTAATAAT
BS-C4     GAAAGATTATGAATAATTTGTTTTAATTGGTGGGTATGAGGTGTTGTGTAGTTGATTTAATAAT
BS-C5     GAAAGATTATGAATAATTTGTTTTAATTGGTGGGTATGAGGTGTTGTGTAGTTGATTTAATAAT

```

SI Appendix

Table S2.

Treatment of *C. albicans* with 5-azacytidine (AZAC-C) prevents DNA methylation. DNA extracted from yeast form cells of strain SC5314 grown with or without AzaC was subjected to bisulfite treatment prior to cloning and sequencing. ^mC residues were only observed in untreated DNA samples (CONTROL-C) and are denoted with an asterisk. ^mC was not observed in AzaC treated samples. Sequence alignments for two independent presumptive genes are shown.

(A) Orf19.7270

	10	20	30	40	50	60	70
 *.....						
CONTROL-C1	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTCGGGGATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
CONTROL-C2	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
CONTROL-C3	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTCGGGGATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
CONTROL-C4	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTCGGGGATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
CONTROL-C5	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
GENOMIC	GGGTGGTCATCAAACGTGTTTGGGGTCGGGAATATGAAGGTGAACCTCGTTGAGGGTGTGTTATCCTGAGCC						
AZAC-C1	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
AZAC-C2	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
AZAC-C3	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
AZAC-C4	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
AZAC-C5	GGGTGGTTATTAAATTGTTTGGGGTTGGGAATATGAAGGTGAATTTGTTGAGGGTGTGTTATTTTTGAGTT						
	80	90	100	110	120	130	140
 *.....						
CONTROL-C1	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGCTGTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
CONTROL-C2	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
CONTROL-C3	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGCTGTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
CONTROL-C4	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
CONTROL-C5	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
GENOMIC	GCTGCATTGTCGGTTTTGTGGGAGTGCTGCGATCTCATCGTTTCAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
AZAC-C1	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
AZAC-C2	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
AZAC-C3	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
AZAC-C4	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
AZAC-C5	GTTGTATTGTTGGTTTTGTGGGAGTGTGTTGATTTTATTGTTTAGTGTGGTATATGAGATAGAAGGGGTG						
	150	160	170	180	190	200	210
						
CONTROL-C1	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
CONTROL-C2	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
CONTROL-C3	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
CONTROL-C4	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
CONTROL-C5	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
GENOMIC	GTAGTGGTGCACACGTTTCAGGGTAGATAAGAAAGCAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATCCCAGGGAAA						
AZAC-C1	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
AZAC-C2	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
AZAC-C3	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
AZAC-C4	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						
AZAC-C5	GTAGTGGTGTATATGTTTAGGGTAGATAAGAAAGTAATATGTTTGAGAGTTGAGAGAGATTTTTAGGGAAA						

		220	230	240	250	260	270	280	
	*							
CONTROL-C1		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTCGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
CONTROL-C2		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
CONTROL-C3		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTCGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
CONTROL-C4		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTCGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
CONTROL-C5		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
GENOMIC		TCCGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGCAGAGGAGAAGGTCGACTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
AZAC-C1		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
AZAC-C2		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
AZAC-C3		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
AZAC-C4		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							
AZAC-C5		TTTGATGTGTTGGGTTTGGTGGTGTAGAGGAGAAGGTTGATTGGTATGAGAATGTTGTTGGGTATGAAGT							

		290	300
		
CONTROL-C1		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
CONTROL-C2		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
CONTROL-C3		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
CONTROL-C4		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
CONTROL-C5		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
GENOMIC		AACCTCTGTCAATCTGATGATC	
AZAC-C1		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
AZAC-C2		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
AZAC-C3		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
AZAC-C4		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	
AZAC-C5		AATTTTTGTTAATTTGATGATT	

(B) Orf19.5526

		10	20	30	40	50	60	70	
								
CONTROL-C1		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
CONTROL-C2		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
CONTROL-C3		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
CONTROL-C4		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
CONTROL-C5		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
GENOMIC		ATGTC AACAGTATATTATAAAAACTAGATAAATTACAATCCAGATTTACGACTTGTTCCAGCTCTTTGC							
AZAC-C1		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
AZAC-C2		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
AZAC-C3		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
AZAC-C4		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
AZAC-C5		ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAGATAAATTATAATTTTATGATTTTATGATTTGTTTATGTTTTTTGT							
		80	90	100	110	120	130	140	
	*							
CONTROL-C1		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATCGTGTAAAGAAATTGA							
CONTROL-C2		TTTAATTTATTTGAAATTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
CONTROL-C3		TTTAATTTATTTGAAATTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
CONTROL-C4		TTTAATTTATTTGAAATTGAAGATGGATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
CONTROL-C5		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
GENOMIC		TTCAATTTATCCGAAGCTGAAGATGAATCTGTCTACAAGGCCAGCTTTGATGACACCGTGCAAGAAATTGA							
AZAC-C1		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
AZAC-C2		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
AZAC-C3		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
AZAC-C4		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							
AZAC-C5		TTTAATTTATTTGAAGTTGAAGATGAATTTGTTTATAAGGTTAGTTTTGATGATATTGTGTAAGAAATTGA							

150 160 170 180 190 200 210
|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|
 CONTROL-C1 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 CONTROL-C2 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 CONTROL-C3 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 CONTROL-C4 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 CONTROL-C5 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 GENOMIC TCTGTTATTGATTGCTTTCAAAGACCTCCTTAGACTTTTACGACCCAAAAGATAAAATCCAACAAAATTCGAT
 AZAC-C1 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 AZAC-C2 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 AZAC-C3 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 AZAC-C4 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT
 AZAC-C5 TTTGTTATTGATTGTTTTTAAAGATTTTTTTAGATTTTTATGATTTAAAGATAAAATTTAATAAATTTGAT

220 230 240 250 260 270 280
|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|
 CONTROL-C1 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 CONTROL-C2 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 CONTROL-C3 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 CONTROL-C4 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 CONTROL-C5 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 GENOMIC ACATACGAATTGAAATTTTCATTCCTTTGAAGCACAAAATTCGCTGAGTTGCAAGTATTTATTAATGATCAAC
 AZAC-C1 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 AZAC-C2 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 AZAC-C3 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 AZAC-C4 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT
 AZAC-C5 ATATATGAATTGAAATTTTATTTTTTTGAAGTATAAAATTTGTGTGAGTTGTAAGTATTTATTAATGATTAAT

290 300 310 320 330 340 350
|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|.....|*.....|.....|.....|.....|.....|
 CONTROL-C1 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 CONTROL-C2 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 CONTROL-C3 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 CONTROL-C4 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 CONTROL-C5 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATCTGTTTGTGGATATTATTAA
 GENOMIC AACCAAGACAAGTTGCATGAATATAGGATAAAGCATTTCCATCTACAAGATCTGCCTGTGGATACCATCAA
 AZAC-C1 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 AZAC-C2 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 AZAC-C3 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 AZAC-C4 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA
 AZAC-C5 AATAAGATAAGTTGTATGAATATAGGATAAAGTATTTTTATTTATAAGATTTGTTTGTGGATATTATTAA

360 370 380 390 400 410 420
|.....|.....|.....|.....*|.....|.....|.....|*.....|.....|*.....|.....|.....|.....|.....|
 CONTROL-C1 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 CONTROL-C2 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 CONTROL-C3 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 CONTROL-C4 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 CONTROL-C5 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATCATTGTTGATTGTTTTACTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 GENOMIC TAACGAATTTGCTCGAGACCAATTAATTTGCTGATCGTTCCACTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGCG
 AZAC-C1 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 AZAC-C2 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 AZAC-C3 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 AZAC-C4 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG
 AZAC-C5 TAATGAATTTGTTTGTAGATTAATTAATTTGTTGATTGTTTTATTAAGAAGATTAAGAAAAGAAAAGAAAGTG


```

          710          720          730          740          750          760          770
...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|.
CONTROL-C1 TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
CONTROL-C2 TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
CONTROL-C3 TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
CONTROL-C4 TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
CONTROL-C5 TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
GENOMIC    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGCGACCCTTAAAAATTCTTGTTGGTCCTTTTTCAAGATCTTAAATAT
AZAC-C1    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
AZAC-C2    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
AZAC-C3    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
AZAC-C4    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT
AZAC-C5    TGGTTTATAGAAGAATTTTAAGGTGATTATTTAAAAATATTTTTGTGGTTTTTTTTTAAGATTTTAAATAT

```

```

          780          790          800          810          820          830          840
...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|.
CONTROL-C1 TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
CONTROL-C2 TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
CONTROL-C3 TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
CONTROL-C4 TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
CONTROL-C5 TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
GENOMIC    TTTCAACTGGTTGCTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATCTGCAAGTGATATGATAGTTTCATCTGTG
AZAC-C1    TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
AZAC-C2    TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
AZAC-C3    TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
AZAC-C4    TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG
AZAC-C5    TTTTAATTGGTTGTTTGGAGGTGGTAGAAGTAAAGGGTTATTTGTAAGTGATATGATAGTTTTATTTGTG

```

```

          850          860          870          880          890          900          910
..*|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|.
CONTROL-C1 ATCGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
CONTROL-C2 ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATTTTGTGGATATTTTGTGAATGTTG
CONTROL-C3 ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
CONTROL-C4 ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
CONTROL-C5 ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
GENOMIC    ATCGCTGCTACCACGGAAATCGTCGACTATGAGGCAACGAAAACATTGTTGGATACCTTGTGCAACGCTG
AZAC-C1    ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
AZAC-C2    ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
AZAC-C3    ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
AZAC-C4    ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG
AZAC-C5    ATTGTTGTTATTATGGAAATTGTTGATTATGAGGTAATGAAAATATTGTTGGATATTTTGTGATGTTG

```

```

          920          930          940          950          960          970          980
...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|. ...|.
CONTROL-C1 TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
CONTROL-C2 TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGATATTAATGGAATA
CONTROL-C3 TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
CONTROL-C4 TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
CONTROL-C5 TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
GENOMIC    TGGACTCTAATACAGCGATTGATACACTTCAATGGTAGTGGAAATCTCTTACGAGATCATCAATGGAACA
AZAC-C1    TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
AZAC-C2    TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
AZAC-C3    TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
AZAC-C4    TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA
AZAC-C5    TGGATTTTAAATATAGTGATTGATATATTTGTAATGGTAGTGGAAATTTTTTATGAGATTATTAATGGAATA

```

SI Appendix

Table S3. Bisulfite sequencing of pBluescript KS(-) vector DNA used to monitor the efficiency of bisulfite conversion. Representative sequences from 10 independent clones are shown.

	10	20	30	40	50	60	
Genomic	CAGGAAACAGCTATGACCATGATTACGCCAAGCGCGCAATTAACCCCTCACTAAAGGGAAC					
Bisulfite-1	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-2	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTGTTAAAGGGAAT						
Bisulfite-3	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-4	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-5	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-6	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-7	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-8	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-9	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
Bisulfite-10	TAGGAAATAGTTATGATTATGATTATGTTAAGTTTGAAATTAATTTTTATTAAAGGGAAT						
	70	80	90	100	110	120	
Genomic	AAAAGCTGGGTACCGGGCCCCCCTCGAGGTCGACGGTATCGATAAGCTTGATATCGAAT					
Bisulfite-1	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-2	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-3	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-4	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-5	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-6	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-7	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-8	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-9	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
Bisulfite-10	AAAAGTTGGGTATTGGGTTTTTTTTTTGAGGTTGATGGTATTGATAAGTTTGATATTGAAT						
	130	140	150	160	170	180	
Genomic	TCCTGCAGCCCCGGGGATCCACTAGTTCTAGAGCGGCCCGCCACCGCGGTGGAGCTCCAAT					
Bisulfite-1	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-2	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-3	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-4	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-5	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-6	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-7	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-8	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-9	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
Bisulfite-10	TTTTGTAGTTTGGGGGATTTATTAGTTTTAGAGTGGTTGTTATTGTGGTGGAGTTTTAAT						
	190	200					
Genomic	TCGCCCTATAGTGAGTCGTATTA					
Bisulfite-1	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-2	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-3	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-4	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-5	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-6	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-7	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-8	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-9	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						
Bisulfite-10	TTGTTTTATAGTGAGTTGTATTA						

SI Appendix

Table S4.

List of primers used for the amplification and sequencing of *C. albicans* genomic regions. These regions were used as probes in methylation, northern blotting and RAM assays.

ORF19-x	Chromo- some	Forward primer (5' - 3')		Reverse primer (5' - 3')	
		Name	Sequence	Name	Sequence
1288	3	1809F	ATGTCTCCAATAGATTTTAAAGATAAAG	1809R	CTTAGCTTTGTCCACCAACTAATTTAATAGC
2253	2	2253F	ATGGTGGTTTCTGATTATAGTGCTACAC	2253R	GTTGAATTCCGATTCATTATCGTCATCA
2506	3	2506F	ATGGCGACTACAACATAAAACG	2506R	TTAATACTCATAATCATTATCGACATTAG
2769	4	2769F	ATGAATCAAAATAAGAAATTAAGTGG	2769R	TTATTGTGTACGAACTTCACCATCTTC
2834	R	2834F	ATGTATCAAGAATTACCATTGATGAATTA	2834R	TCACACATTATTATTTAATTTATCTAATT
3035	1	3035F	TCCGGAAGAAGCTGAGTTAAATCCAG	3035R	AGCCTATTATACATGGCACCAA
3924	5	3924F	TTAGTTTTTCTCTGGTAACACAGTGTTG	3924R1	ATGTACAAGGATGATTTATCTAATTC
2593	R	BIO2F	ATGTCTGTTAAAAGATTTTCTCCATG	BIO2R	CTACTTAGTGAACTTTCCATTGGTTTC
1712	3	GEA2F	GAAAAATCCTAAATTGGGAGTTAAACAAT	GEA2R	ACCACCGTTGATAAATTGAGCTTTAAAATC
1712	3	GEA2F	ATGGAAATATCTAAACCTTCTACTCCAC	GEA2R	TTAGTTAGCTTGTCTTGGATTGAGC
1712	3	GEA2-RF	TTAAATACTGATCTTCATAATCCTCAAG	GEA2-RR	ATGTTCTTCTGGCATAATGATTTCTC
5475	3	HV40-2F	AGTTCTGTAACCAATTCAAAATGATCT	HV40-2R	TTGATCACTAGATTAAAGCATTGTTG
5636	4	RBT5F	ATGCTCGCCTTATCCTTATTGTCAATC	RBT5R	TTAGAATAAGGCAGCAACAGCGGCAATG
5636	4	RBT5-RF	TCAATTTGCTGGTGCCGTTGGTAACTG	RBT5-RR	ACCGGCGTTAGCAGCTTCAACGGAAAC
25S rDNA	R	TbC2F	GATCAACTTAGAACTGGTACGGACAAG	TbC2R	GATCGCCCAGAGGGCTTAATCCTAGAA
TUB2	1	TUB1F	ATGAGAGAAGTCATCAGTATTAATG	TUB1R	CTAATATTCTTCTTCTTCTCAGGGAAA

Repeat DNA	Subtelomeric	YV2-2F	GGATAAACCCATCTCTATAAGACATCA	YV2-2R	ATTCAACACTATCTCTGATGAAGAACC
1725	3	1725F	ATTTCAAACCGAAATAATTAACAA	1725R	CTGGGGTGGTAGTGTTACTACTGTT
2767	4	2767F	AAAAGTTGAGGACAACCTCTTTACA	2767R	AACGTAACGTAAAGAATGAGTAAATTC
4549	1	4549F	TTCCAATGTTAA GTTTGAATCCCTA	4549R	GGCAAATGATACATAAAATCCAGAC

SI Appendix

Table S5.

List of primers used for bisulfite DNA sequencing of *C. albicans*.

ORF19-x	Chromosome	Forward primer (5'-3')		Reverse primer (5'-3')	
		Name	Sequence	Name	Sequence
331	3	TbC11BSF	TGGATTTTATTTTTGTTATTAAGAG	TbC11BSR	AAACCTTCCAAATAATAACCATACC
939	5	TbC4BSF	TATTAGTGTGATGTTTTTAAGGT	TbC4BSR	AATCTCATATTATTTATATTCAATTATACC
1288	3	FOX2BSF	ATTTTAAAGATAAAGTTGTTATTATTAT	FOX2BSR	CTTCAAATATTCTAATTTACCAAATC
1622	3	YV15-BSF	TTTTATTGATATTTTTAATTGTTGTTGTA	YV15-BSR	ATAATCAAATATTTAATCTTAAAAACCAAATTC
1712	3	1KbGEA2-BSF	ATTGATGGGTTTATTAAGATGGTAATG	1KbGEA2-BSR	TTCTTAATTATTTTAAATAAAACCAC
		YV18-BSF	GATTTTTTTTAGTATGATGGAAAATAT	YV18-BSR	AATCTTCATAATCCTCAAATTAATAAAC
1725	3	1725-BSF1	AAGGGTGGTGATTGGATTAGTTGGAGAAG	1725-BSR	TATTACTAATCCAAATTTCTCCACCAC
2216	2	EbC31BSF	TTTTTTAAAAAGATTAGTAGAAGTTAAAT	EbC31BSR	AAACTTATTATACCACTATTCAACAATAAT
2253	2	TbC16BSF	ATTTGTTTTGTTGGGTATGAATTAA	TbC16BSR	TCAATCACATCTATCATTAAACTTTCA
2407	R	HV11-BSF	GAGAGAAGTTGGTAAAGAAGTTGATGA	HV11-BSR	AAAAAACATAACAACCTTTTCTAAAC
2506	3	TbC34BSF	AAGAAGTTTTGAAAGTTATTTTTGTAA	TbC34BSR	ACTTTTACTACAAATCTTATAATTAATC
2560	R	HV29-3-BSF	TTATTGGTAAATATAAAGGTGATA	HV29-3-BSR	ACCAAATATTAATAATCCCAAAC
2593	R	BIO2-BSF1	TTATTTAGTGAAATTTTTATTGGTTT	BIO2-BSR1	ACCCAAAATCATTACCAATCAACTTT
		BIO2-BSF2	ATTTGTTGATTGGTAATGATTTGGG	BIO2-BSR2	CAATAAAATTATTAACAAATCAAC
		BIO2-BSF3	TGATTTTGTTAAGGTAGATTTTTTTT	BIO2-BSR3	ACAAAATTTACAATACTCCATTAATAA
		BIO2-BSF4	TGTTAATTTATTTTTGGTTTAGTTAG	BIO2-BSR4	TTCAACATCACTACAAACAATACTC
		BIO2-BSF5	TTGTTTGTAGTGATGTTGAATTAAG	BIO2-BSR5	CATATATTAATAATAATAATAA

2605	R	HV16-BSF	GAAGAAAGGTGTTGTTGTTTTATTTTT	HV16-BSR	TTTATTACCTCTTAATCTTCTCATAACATC
2639.1	5	NbC112BSF	AGGATTTGATTAATTGATGAATTTGG	NbC112BSR	AATCTCACTACCATCCACC
2769	4	YV50-BSF	AGATAAAGAGAGGATTAATAAATTTA	YV50-BSR	AAACTCACTCTCAAATCCTTTTATTA
2834	R	YV10-1-BSF	GATTATAAATTTGTTAAAGATAAATTAG	YV10-1-BSR	ATTATCAATCAACCAACTTAATCTTCAA
3035	1	3035BSF	TAATTTGAAGTTATTGATTATAAGGTTGA	3035BSR	AATATACTAAACCAAAAACTTTCTTCAC
3924	5	3924BSF	TTGGTAATATAGTGTGAGGAAATTGAT	3924BSR	AAATTATTAAAAAACCAACAAAAAACC
4015	5	TbC27BSF	TTGGGGTTATTATGTTGAAATTGT	TbC27BSR	CAAACCTTAAATTTACCCCATTCTT
		TbC27BSF1	AAATTGAATATTAATTGTAAAGTAAAAA	TbC27BSR1	AAAACAAAATCAAAAAAATCC
		TbC27BSF2	TGGGTTATAGATAGTTATTAAGAGAAGTAT	TbC27BSR2	AATTATACAACAAAACCTTAAAAAAA
4131	5	NbC24BSF	AATTTTTATTGATGTTTTGGGAT	NbC24BSR	CAACTTTAACTTCATATTCTAATCTCTAC
4227	5	EbC36BSF	TAAGTTTTAATTGAAATAGTTGAAATTTTA	EbC36BSR	ATTTACTACATTAATTATTAATCCATATT
4379	R	HV24-2-BSF	TTTTAATTTTTTTTTTAATTAT	HV24-2-BSR	AATACTATTTAACAACATTTCT
4549	1	4549-BSF	TTGAATTTTGGATGGATTTAATGTTA	4549-BSR	AAAACATACAAAAACCCATAATTAAC
5087	1	HV43-BSF	AGTTTTGTAATTTAAGTTGTTGATGATT	HV43-BSR	AATCAAATCATCCTACAAATTCAAAAA
5469	3	HV8-1-BSF	GTGGTGGTTGATAGTAAGTTTGATG	HV8-1-BSR	AAACAAATACCCACAAATCTCCTT
5475	3	YV6-BSF	AATTTATTTATATTGATAAAATTGTG	YV6-BSR	TATTCAAATATTCAAAAACCAACCC
5526	6	SEC20-BSF	ATGTTAATAGTATATTATAAAAAATTAG	SEC20-BSR	TATTCAATTCCTCTACAATATACCTACTA
		SEC20-BSF1	GAATATTGATAATATTGATTAGTAAATTAAG	SEC20-BSR1	CTATAATTCATCTACAATATATTCCAT
5636	4	RBT5-BSF1	TTTTGTTTAGGTGTTATATGGGTATT	RBT5-BSR1	TTTTAACAACACTTAAAAAATAATA
		RBT5-BSF2	TATATATTATTTTTTAAGTGTGTTA	RBT5-BSR2	ACATCAACAACCTTAACCAAAA
		RBT5-BSF3	TTTTGGTTAAGGTTGTTGATGT	RBT5-BSR3	TAAAAATAAAACAACAACAA
5749	6	EbC26BSF	AATTTTAATTGTATTATGGGTTTAA	EbC26BSR	CCAATATTCCTTCTTATTAATCTTTTT

		EbC26BSF1	TAAAAAAGATTAATAAGAAGAATATTGG	EbC26BSR1	ATTA AAAA ACCAATACACTAAAATC
		EbC26BSF2	TGATTTAAATGATTTTGGTGGATTT	EbC26BSR2	TTAAAATTATCTTTTTCAATAACAATAAC
		EbC26BSF3	TATTGATAGTTTGTGTGTGAAATTTGTTA	EbC26BSR3	ATTAAATCAAATATTTAAATAATTAATAA
5779	2	HV12-BSF	TATAATGATAATAATTTATTTAGATTA	HV12-BSR	ATAACCCCTTAATATATCATTAC
6286.2	R	YV19-BSF	GTATTATTAATAATGAATTAGGAT	YV19-BSR	AATCACAAATAACAACAATTTAAAC
6440	R	NbC130BSF	GATGTGGATGAAGTTGTTTT	NbC130BSR	AATCTAATCAATCTTCC
6784	3	TbC25BSF	GATAAAGAATTTTTGAAGTGGTTGA	TbC25BSR	ACCCCAATTACAAATACAAATACCA
		TbC25BSF1	AAATGGAAAATTGAAATGTAATTAA	TbC25BSR1	CAAAAAATTATTCAAATTATTCTAATACTA
		TbC25BSF2	GTTAGTTTTGGATTAAGTATTAAGGATAAT	TbC25BSR2	TAAACACAAATAAAAACTTCTTAAAAATAA
6926	3	YV32-BSF	GTTGGATATATGATTTTGAGAAAG	YV32-BSR	TCAAATAAATACACACCAAAAAAT
7216	1	EbC24BSF	AAATAGGAAGAGTTTTATTTGTGGA	EbC24BSR	AAAAAAAATATTTATTCATACACTC
7270	1	EbC28BSF	GGGTGGTTATTA AATTGTTTGG	EbC28BSR	TCATCAAATTAACAAAAATTACTTCATAC
10276	4	TbC36BSF	TTTTAATTGGATTATTAATGGTAT	TbC36BSR	ATAAATTAATTCTAAAATCAATTCC
25S rDNA	R	TbC2BSF	GTTGGTGGATGTTGTTGTAGATA	TbC2BSR	CCTTAAAAAATCATAATTACTCCC
		TbC2BSF1	GAGTAATTATGATTTTTTAAAGGTAGTTAA	TbC2BSR1	TAAAATTTAACCTCCA ACTCC
		HV48-1-BSF	AGTTTTTATTAGAGTTTTTTTTGGTTTTAT	HV48-1-BSR	TTACCTAAAATATTAACATAATAATCT
NCR	6	HV28-BSF	TGTTTGTGTGTAGGAAAAAAGGTTGA	HV28-BSR	CAACTAAATAATTTACTATAATTTT
NCR	2	YV41-BSF	AAAAGAGAAATGATTAGTTAAGGTTATATA	YV41-BSR	AAAAAAATTCACAAACACC
Large rDNA	mtDNA	TbC49BSF	GTTAGGGATAAATTGTTAGTTTTTTTATAT	TbC49BSR	TATCACTATTTAATTCAAACTATATCATCA
		TbC49BSF1	ATGGGGTGAATTGTAAGAAAGTTTA	TbC49BSR1	TCATTAACCTCTTTATACTAATATCTATAA
		TbC49BSF2	TATTATAATGATTTTTAATTAATTGTAATT	TbC49BSR2	AAATATCACCCACCTCCTTTAAAA
DNA repeats	mtDNA	YV31-BSF	GTAGATTTTATTTAGTATTAATTATTTAATA	YV31-BSR	CACCTAAAATATTATATTTCAAATAAAATT

			GG		
Vector	Control	M13F-Bisulfite	ATAAAACAACAACCAATAAATT	M13R-Bisulfite	TAGGAAATAGTTATGATTATG
CaCEN1*	Control	METHCEN1F 4	TTGTTTTGAAGTAGTAGTAATTGATAGTA	METHCEN1R4	AATAAAACCAAAAATATCCTTCATTC

*These primers were derived from a previous study (1).

1. Baum M, Sanyal K, Mishra PK, Thaler N, & Carbon J (2006) Formation of functional centromeric chromatin is specified epigenetically in *Candida albicans*. *Proc Natl Acad Sci U S A* 103:14877-14882.